

いわて東北メディカル・メガバンク機構

氏名	所属	職名	取得学位	専門分野	主な論文・著作・業績
清水 厚志	いわて東北メディカル・メガバンク機構	特命教授	博士（理学）	人類遺伝学 基礎ゲノム科学 分子生物学	<p>Matsuzaki Y, Hosokai H, Mizuguchi Y, Fukamachi S, Shimizu A, Saya H. :Establishment of HRAS(G12V) transgenic medaka as a stable tumor model for in vivo screening of anticancer drugs. / PLoS One. 2013;8(1):e54424.</p> <p>Shimizu A, Shimizu N. Dual promoter expression system with insulator ensures a stringent tissue-specific regulation of two reporter genes in the transgenic fish. / Transgenic Res. 2013 Apr;22(2):435-44.</p> <p>Sasaki T, Niizeki H, Shimizu A, Shiohama A, Hirakiyama A, Okuyama T, Seki A, Kabashima K, Otsuka A, Ishiko A, Tanese K, Miyakawa S, Sakabe J, Kuwahara M, Amagai M, Okano H, Suematsu M, Kudoh J. Identification of mutations in the prostaglandin transporter gene SLC02A1 and its phenotype-genotype correlation in Japanese patients with pachydermoperiostosis. / J Dermatol Sci. 2012 Oct;68(1):36-44.</p> <p>清水厚志. 次世代シーケンサーによる発現変動遺伝子の同定. Medical Science Digest 2012;38(13): 587-588</p> <p>文部科学省科学研究費補助金「対象配列特異的シーケンシング法によるドラフトゲノムの効率的精度向上法の確立」2012年</p>
八谷 剛史	いわて東北メディカル・メガバンク機構	特命准教授	博士（理学）	生体生命情報学 統計科学 応用ゲノム科学	<p>Tabata H*, Hachiya T*, Nagata K, Sakakibara Y, Nakajima K. Screening for candidate genes involved in the production of mouse subventricular zone proliferative cells and an estimation of their changes in evolutionary pressure during primate evolution. / Front Neuroanat. 31;7:24 (2013) *Equally contributed</p> <p>Namiki T*, Hachiya T*, Tanaka H, Sakakibara Y. MetaVelvet: an extension of Velvet assembler to de novo metagenome assembly from short sequence reads. / Nucleic Acids Res. 40(20):e155 (2012) *Equally contributed</p> <p>Hachiya T, Osana Y, Pependorf K, Sakakibara Y. Accurate identification of orthologous segments among multiple genomes. / Bioinformatics. 25(7):853-860 (2009)</p> <p>八谷剛史, 入江直樹, 荒川和晴. Close Up 実験法: 次世代シーケンサーの有効活用術. 実験医学. 2011; 29: 1789-1796.</p> <p>八谷剛史. ゲノムマッピングとビューワ-研究目的に応じたマッピングツールの選択と評価. 実験医学増刊. 2011; 29: 2528-2536.</p>

いわて東北メディカル・メガバンク機構

氏名	所属	職名	取得学位	専門分野	主な論文・著作・業績
大桃 秀樹	いわて東北メディカル・メガバンク機構	特命助教	博士 (神経科学)	<ul style="list-style-type: none"> ・神経科学一般 ・解剖学一般(含組織学・発生学) ・神経解剖学 	<p>Ohmomo H, Ina A, Yoshida S, Shutoh F, Ueda S, Hisano S. :Postnatal changes in expression of vesicular glutamate transporters in the main olfactory bulb of the rat / Neuroscience 160:419-26(2009)</p> <p>久野節二, 伊奈鮎香, 吉田さちね, 大桃秀樹, 川野道宏. :小胞性グルタミン酸トランスポーター / 生体の科学 61:400-401(2010)</p> <p>Ohmomo H, Ehara A, Yoshida S, Shutoh F, Ueda S, Hisano S. :Temporally distinct expression of vesicular glutamate transporters 1 and 2 during embryonic development of the rat olfactory system / Neurosci. Res. 70:376-82(2011)</p> <p>Ueda S, Ehara A, Ohmomo H. :Property of Regenerating Serotonin Fibers in the Hippocampus of Human Migration Disorders Model / Kansei Engineering International Journal 11:139-45(2012)</p> <p>Masuda T, Sakuma C, Ueno T, Yamada Y, Ohmomo H, Ueda S, Yamagishi T, Yaginuma H. :Spatiotemporal Patterns of the Huntingtin-Interacting Protein 1-Related (Hip1r) Gene in the Mouse Head / Congenit. Anom. (Kyoto) (in Press)</p>
志波 優	いわて東北メディカル・メガバンク機構	特命助教	修士 (バイオサイエンス)	<ul style="list-style-type: none"> ゲノム生物学 分子生物学 応用微生物学 	<p>Arai-Kichise Y, Shiwa Y, Nagasaki H, Ebana K, Yoshikawa H, Yano M, Wakasa K. Discovery of genome-wide DNA polymorphisms in a landrace cultivar of Japonica rice by whole-genome sequencing. Plant Cell Physiol. 2011 Feb;52(2):274-82.</p> <p>Kanesaki Y, Shiwa Y, Tajima N, Suzuki M, Watanabe S, Sato N, Ikeuchi M, Yoshikawa H. Identification of substrain-specific mutations by massively parallel whole-genome resequencing of Synechocystis sp. PCC 6803. DNA Res. 2012;19(1):67-79.</p> <p>Kato H, Shiwa Y, Oshima K, Machii M, Araya-Kojima T, Zendo T, Shimizu-Kadota M, Hattori M, Sonomoto K, Yoshikawa H. Complete genome sequence of Lactococcus lactis IO-1, a lactic acid bacterium that utilizes xylose and produces high levels of L-lactic acid. J Bacteriol. 2012 Apr;194(8):2102-3.</p> <p>Shiwa Y, Fukushima-Tanaka S, Kasahara K, Horiuchi T, Yoshikawa H. Whole-Genome Profiling of a Novel Mutagenesis Technique Using Proofreading-Deficient DNA Polymerase delta. Int J Evol Biol. 2012;2012:860797.</p> <p>Watanabe S, Shiwa Y, Itaya M, Yoshikawa H. Complete sequence of the first chimera genome constructed by cloning the whole genome of synechocystis strain PCC6803 into the Bacillus subtilis 168 genome. J Bacteriol. 2012 Dec;194(24):7007.</p>

いわて東北メディカル・メガバンク機構

氏名	所属	職名	取得学位	専門分野	主な論文・著作・業績
古川 亮平	いわて東北メディカル・メガバンク機構	特命助教	博士（理学）	細胞生物学 発生生物学 免疫学	<p>Furukawa R, Funabashi H, Matsumoto M, Kaneko H. Starfish <i>ApDOCK</i> protein essentially functions in larval defense system operated by mesenchyme cells. / <i>Immunol Cell Biol.</i> 90: 955-965 (2012)</p> <p>Furukawa R, Matsumoto M, Kaneko H. Characterization of a scavenger receptor cysteine-rich-domain-containing protein of the starfish, <i>Asterina pectinifera</i>: <i>ApSRCR1</i> acts as an opsonin in the larval and adult innate immune systems. / <i>Dev Comp Immunol.</i> 36(1): 51-61 (2012)</p> <p>Furukawa R, Takahashi Y, Nakajima Y, Dan-Sohkawa M, Kaneko H. Defense system by mesenchyme cells in bipinnaria larvae of the starfish, <i>Asterina pectinifera</i>. / <i>Dev Comp Immunol.</i> 33(2): 205-215 (2009)</p> <p>古川亮平. ヒトデ幼生に探るマクロファージのご先祖② 自己と非自己をさかのぼって考える. <i>ミクروسコピア.</i> 26(2): 14-18 (2009)</p> <p>古川亮平. ヒトデ幼生に探るマクロファージのご先祖① メチニコフの発見から100年. <i>ミクロスコピア.</i> 26(1): 9-16 (2009)</p>
佐々木 亮平	いわて東北メディカル・メガバンク機構	特命助教			