

薬科学講座構造生物薬学分野

氏名	所属	職名	取得学位	専門分野	主な論文・著作・業績
野中 孝昌	薬科学講座構造生物薬学分野	教授	博士（工学）	構造生物化学 物理系薬学	<p>①野中孝昌：第2章 構造に基づく医薬品設計におけるX線結晶学 /東京化学同人, ドラッグデザイン, 田之倉優 他（共著）、p19-31 (2014) .</p> <p>②Ideo, H., Matsuzaka, T., Nonaka, T., Seko, A. and Yamashita, K.: Galectin-8-N-domain recognition mechanism for sialylated and sulfated glycans. / J. Biol. Chem. 286: 275-282 (2011).</p> <p>③Tamura, M., Takeuchi, T., Nonaka, T., Ksai, K. and Arata Y.: Cross-link formation between mutant galectins of <i>Caenorhabditis elegans</i> with a substituted cysteine residue and asialofetuin via a photoactivatable bifunctional reagent. / Biol. Pharm. Bull. 34: 929-932 (2011).</p> <p>④Itagaki, T., Nishizaki, S., Sekihashi, K., Kobayashi, H., Kidokoro, S., Kezuka, Y., Arata, Y., Hirabayashi, J., Kasai, K. and Nonaka, T.: Crystallization and preliminary X-ray crystallographic analysis of galectin LEC-1 from <i>Caenorhabditis elegans</i>. / Prot. Pept. Lett. 15: 419-422 (2008).</p> <p>⑤文部科学省科学研究費補助金 基盤研究 (C) 新規モデリング法を利用したモジュラーキチナーゼの立体構造と抗真菌機能の相関の解明 2012年～2014年</p>
阪本 泰光	薬科学講座構造生物薬学分野	准教授	博士（薬学）	構造生物化学 物理系薬学	<p>①Roppongi, S., Suzuki, Y., Tateoka, C., Fujimoto, M., Morisawa, S., Iizuka, I., Nakamura, A., Honma, N., Shida, Y., Ogasawara, W., Tanaka, N., Sakamoto, Y., Nonaka, T.: Crystal structures of a bacterial dipeptidyl peptidase IV reveal a novel substrate recognition mechanism distinct from that of mammalian orthologues. / Scientific Reports 8:2714 (2018)</p> <p>②Sekiya, M., Sakamoto, Y., Futai, M. and Nakanishi-Matsui, M.: Role of α/β interface in F1 ATPase rotational catalysis probed by inhibitors and mutations. / Int J Biol Macromol. 99:615-621 (2017).</p> <p>③Sakamoto, Y., Suzuki, Y., Iizuka, I., Tateoka, C., Roppongi, S., Fujimoto, M., Inaka, K., Tanaka, H., Ohta, K., Gouda, H., Nonaka, T., Ogasawara, W. and Tanaka, N.: Structural and mutational analyses of dipeptidyl peptidase 11 from <i>Porphyromonas gingivalis</i> reveal the molecular basis for strict substrate specificity. / Scientific Reports 5:11151 (2015).</p> <p>④特願2017-156345 ペプチド型細菌ジペプチジルペプチダーゼ7阻害剤 神戸学院 長岡技術科学大学 岩手医科大学</p> <p>⑤文部科学省科学研究費補助金 基盤研究 (C) 「課題名：糖非発酵グラム陰性細菌由来ジペプチド産生酵素の創薬分子基盤」 2016年度～2018年度</p>
毛塚 雄一郎	薬科学講座構造生物薬学分野	助教	博士（工学）	構造生物化学	<p>①Kezuka, Y., Ishida, T., Yoshida, Y., and Nonaka, T. Structural insights into the catalytic mechanism of cysteine (hydroxyl) lyase from the hydrogen-sulfide producing oral pathogen, <i>Fusobacterium nucleatum</i>. / Biochem. J. 475, 733-748. (2018)</p> <p>②Yoshida, Y., Sato, M., Kezuka, Y., Hasegawa, Y., Nagano, K., Takebe, J. and Yoshimura, F.: Acyl-CoA reductase PGN_0723 utilizes succinyl-CoA to generate succinate semialdehyde in a butyrate-producing pathway of <i>Porphyromonas gingivalis</i>. / Arch. Biochem. Biophys. 596: 138-148. (2016)</p> <p>③Ishibashi, K., Kezuka, Y., Kobayashi, C., Kato, M., Inoue, T., Nonaka, T., Ishikawa, M., Matsumura, H. and Katoh, E.: Structural basis for the recognition-evasion arms race between Tomato mosaic virus and the resistance gene Tm-1. / Proc. Natl. Acad. Sci. USA 111: E3486-3495. (2014)</p> <p>④歯科基礎医学会 若手研究者助成制度採択「課題名： <i>Fusobacterium nucleatum</i> における硫化水素産生機構の解明とその制御」2017年度</p> <p>⑤文部科学省科学研究費補助金 基盤研究 (C) 「課題名：歯周病原細菌による有臭有毒物質産生を抑制する化合物の探索と改良」2016年度～2018年度</p>