

生体情報解析部門

氏名	所属	職名	取得学位	専門分野	主な論文・著作・業績
清水 厚志	生体情報解析部門	教授	博士（理学）	人類遺伝学 基礎ゲノム科学 分子生物学	<p>Hachiya T., Furukawa R., Shiwa Y., Ohmomo H., Ono K., Katsuoka F., Nagasaki M., Yasuda J., Fuse N., Kinoshita K., Yamamoto M., Tanno K., Satoh M., Endo R., Sasaki M., Sakata K., Kobayashi S., Ogasawara K., Hitomi J., Sobue K., <u>Shimizu A.</u>: Genome-wide identification of inter-individually variable DNA methylation sites improves the efficacy of epigenetic association studies. <i>Genomic Medicine</i>, 2:11 (2017)</p> <p>Hachiya T., Kamatani Y., Takahashi A., Hata J., Furukawa R., Shiwa Y., Yamaji T., Hara M., Tanno K., Ohmomo H., Ono K., Takashima N., Matsuda K., Wakai K., Sawada N., Iwasaki M., Yamagishi K., Ago T., Ninomiya T., Fukushima A., Hozawa A., Minegishi N., Satoh M., Endo R., Sasaki M., Sakata K., Kobayashi S., Ogasawara K., Nakamura M., Hitomi J., Kita Y., Tanaka K., Iso H., Kitazono T., Kubo M., Tanaka H., Tsugane S., Kiyohara Y., Yamamoto M., Sobue K., <u>Shimizu A.</u> Genetic Predisposition to Ischemic Stroke: A Polygenic Risk Score. <i>Stroke</i>. 48:253-258. (2017).</p> <p>Hachiya T, Hata J, Hirakawa Y, Yoshida D, Furuta Y, Kitazono T, Shimizu A, Ninomiya T. Genome-Wide Polygenic Score and the Risk of Ischemic Stroke in a Prospective Cohort: The Hisayama Study. <i>Stroke</i>. 51:759-765 (2020).</p> <p>清水厚志, 坊農秀雅監修, 細胞工学別冊 次世代シーケンサーDRY解析教本, 東京: 秀潤社, (2015)</p> <p>特許6716143号「名称; 脳梗塞発症リスクの予測モデル作成方法および予測方法」</p>

生体情報解析部門

氏名	所属	職名	取得学位	専門分野	主な論文・著作・業績
那須 崇人	生体情報解析部門	助教	博士(医学)	循環器内科学	<p>①Takahito Nasu: Epigenome-wide association study of severe aortic valve stenosis identifies a novel DNA methylation in peripheral blood mononuclear cells. JCS congress 2018</p> <p>②Mamoru Satoh, <u>Takahito Nasu</u>, Yuji Takahashi, Takuya Osaki, Sho Hitomi, Yoshihiro Morino and Motoyuki Nakamura. Expression of miR-23a induces telomere shortening and is associated with poor clinical outcomes in patients with coronary artery disease. Clinical Science (2017) 131 2007–2017</p> <p>③Osaki T, Satoh M, Tanaka F, Tanno K, Takahashi Y, <u>Nasu T</u>, Sakata K, Morino Y, Sobue K, Sasaki M. The Value of a Cystatin C-based Estimated Glomerular Filtration Rate for Cardiovascular Assessment in a General Japanese Population: Results from the Iwate Tohoku Medical Megabank Project. J Epidemiol. 2019 May 25. doi: 10.2188/jea.JE20180274.</p> <p>④Y. Takahashi, M. Satoh, H. Ohmomo, F. Tanaka, T. Osaki, K. Tanno, <u>T. Nasu</u>, K Sakata, Y. Morino, K Sobue, M. Sasaki. Association between high-sensitivity cardiac troponin T and future cardiovascular incidence in a general Japanese population: results from the Tohoku medical Megabank project, Biomarkers 24 (2019) 566–573. <a href="https://doi.org/10.1080/1354750X.2019.1606278">https://doi.org/10.1080/1354750X.2019.1606278</a>.</p> <p>⑤<u>T Nasu</u>, M Satoh, H Ohmomo, Y Shiwa, S Komaki, K Ono, A Shimizu, S Taguchi, Y Takahashi, T Osaki, Y Morino, K Sobue, M Sasaki. Epigenome-Wide Association Study Identifies a Novel DNA Methylation in Patients With Severe Aortic Valve Stenosis. Circ Genom Precis Med . 2020 ;13(1):e002649. doi: 10.1161/CIRCGEN.119.002649.</p> <p>・那須崇人：レジデントノート 2020年1月号 Vol.21 No.15&lt;心不全診療で考えること、やるべきこと&gt;心不全入院をくり返している場合に考えること，やるべきこと：2676-2682.羊土社</p> <p>・那須崇人・森野禎浩：ICUとCCU 2019年8月号（Vol.43 No.8）&lt;急性冠症候群ガイドライン&gt;補助循環：医学図書出版社</p>